

AMENDMENTS TO THE SPECIFICATION

Please replace Table 9 on page 50, line 25, with the following:

Table 9. DESCRIPTION OF SEQUENCES

Description	
FactorV-leiden gs_primerFVwt	TACTTCAAGGACAAAATACCTGTATTCCGC (SEQ ID NO:4)
FactorV-leiden gs_primerFVmt	TACTTCAAGGACAAAATACCTGTATTCCAT (SEQ ID NO:5)
FactorV-leiden com_primerV:	CAGGGGAAACCTATACTTATAAGTGGAACATC (SEQ ID NO:6)
ApoE158 gs_primer158 T:	ATGCCGATGACCTGCAGAATT (SEQ ID NO:82)
ApoE158 gs_primer158 C:	ATGCCGATGACCTGCAGAATC (SEQ ID NO:83)
ApoE158 com_p158 (cv):	CCTCGCGGATGGCGCTGA (SEQ ID NO:84)
ApoE112 gs_primer112 T:	CGCGGACATGGAGGACGTTT (SEQ ID NO:7)
ApoE112 gs_primer112 C:	CGCGGACATGGAGGACGTTC (SEQ ID NO:8)
ApoE112 com_p112 (cv):	GAGCATGGCCTGCACCTC (SEQ ID NO:9)
MTHFR gs_pMTHFRwt:	GAAGGAGAAGGTGTCTGCGGTAGC (SEQ ID NO:1)
MTHFR gs_pMTHFRmt:	GAAGGAGAAGGTGTCTGCGGAAGT (SEQ ID NO:2)
MTHFR com_pMTHFR:	AGGACGGTGCGGTGAGAGTG (SEQ ID NO:10)
eR1	CGCGATTGGCGTCGTCTGAGCGCCTTTAAA (SEQ ID NO:11)
eR3	CAGCCACACAGAGCGCE-TAGTTCCAATGAC (SEQ ID NO:13)
eR4	CGGCGTAGCCCTCTCCGTCGTCCTGTGTCC (SEQ ID NO:14)
eR5	CGACGCTTTGCAGATGATATACTTGCGCGG (SEQ ID NO:15)
eR6	CCGTGGATCAGCCTGCCCCGATTCCGTCACA (SEQ ID NO:16)
eR9	CCTGTTGCGCCCTGAAGACAAGAGATTTTCG (SEQ ID NO:19)
eR10	CGAGCAACCGGTCCGTCTCTACCCTAAACG (SEQ ID NO:20)
eR11	CGAAGCGTAGGTCAACCCTGAGCGTGCGAT (SEQ ID NO:21)
eR12	CGCGAGCGCTAGTGAACGTACCTAGATTTC (SEQ ID NO:22)
eR18	CATCATTCCTATCGCGACAACGCGGGCCGAA (SEQ ID NO:85)
eR20	CCGTTCGCGTAGTGCCGAGGGCATCAATTA (SEQ ID NO:30)
eR21	CCACGCCTCCTATTTGTCTTCAGCCGCGTC (SEQ ID NO:31)
eR22	CAGGTTTCGCACTCAGTCTTTCCAAGGCGCG (SEQ ID NO:32)
eR34	CTCGGCACGGTTCTACGGAGTGCATAGCGA (SEQ ID NO:36)
eR36	CTACTTGCCCTTCGCGTAGTGGAGGAGAGTT (SEQ ID NO:38)
eR38	CTCGACCGCCAATCCGCAATATGAGCCATG (SEQ ID NO:40)
eR42	CTGAACAATGCCGCGACAATGGAGCTGAAG (SEQ ID NO:44)
eR45	CTGAGACGATAGGGCCGCTTATTGCACCCT (SEQ ID NO:47)
eR47	CTACGCACCTATGACGCGCCTAACCTTTGG (SEQ ID NO:49)
eR50	CTCAGGAAGGGCGAAGCGTTCCTGCCAAT (SEQ ID NO:52)
Up_M1 universal primer sequence:	AGGTCCACTGCGTCCGATGT (SEQ ID NO:53)
Up_M1 universal primer sequence + Spacer	AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCGACT (SEQ ID NO:54)
Up_M2 universal primer sequence:	TTGGCAGCTCTCGGCATCAG (SEQ ID NO:55)
Up_M2 universal primer sequence + Spacer	TTGGCAGCTCTCGGCATCAGTCGACT (SEQ ID NO:56)
Up_M3 universal primer sequence:	TGAAGACCGTCGTCGCGTAC (SEQ ID NO:57)
Up_M3 universal primer sequence + Spacer	TGAAGACCGTCGTCGCGTACTCGACT (SEQ ID NO:58)
4FVw universal e-tag primer	AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCGACTCGGCGTAGCCCTCTCCGTCGTCCTGTGT CCTACTTCA AGGACAAAATACCTGTATTCCGC (SEQ ID NO:59)

18FV universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCTCGACTCATCATTCTATCGCGACAACGCGGGCCGA ATACTTCAAGGACAAAATACCTGTATTCCAT (SEQ ID NO:60)
CFV universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTCAGGGGAAACCTATACTTATAAGTGGAACATC (SEQ ID NO:61)
10MTHFRw universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCTCGACTCGAGCAACCGGTCCGTCTCTACCCTAAAC GGAAGGAGAAGGTGTCTGCGGTAGC (SEQ ID NO:62)
20MTHFRm universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCTCGACTCCGTTTCGCGTAGTGCCGAGGGCATCAAT TAGAAGGAGAAGGTGTCTGCGGAAGT (SEQ ID NO:63)
CMTHFRr universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTAGGACGGTGCGGTGAGAGTG (SEQ ID NO:64)
34E158T universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCTCGACTCTCGGCACGGTTCTACGGAGTGCATAGC GAGATGCCGATGACCTGCAGAATT (SEQ ID NO:86)
36E158C universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCTCGACTCTACTTGCCTTCGCGTAGTGAGGAGAGT TATGCCGATGACCTGCAGAATC (SEQ ID NO:87)
cE158r universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTCCTCGCGGATGGCGCTGA (SEQ ID NO:88)
50E112T universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCTCGACTCTCAGGAAGGGCGAAGCGTTCCCTGCCA ATCGCGGACATGGAGGACGTTT (SEQ ID NO:65)
47E112C universal e-tag primer AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCTCGACTCTACGCACCTATGACGCGCCTAACCTTTG GCGCGGACATGGAGGACGTTT (SEQ ID NO:66)
cE112r AGGTCCACTGCGTCCGATGTGAGCATGGCCTGCACCTC (SEQ ID NO:67)
a126CT-eR4 TET-(M5)2- CG*G*C*GTAGCCCTCTCCGTCGTCTGTGTCC-biotin (SEQ ID NO:68)
a126CF-eR18 6-FAM-(M5)2-CA*T*C*ATTCTATCGCGACAACGCGGGCCGAA-biotin (SEQ ID NO:69)
a156CT-eR10 TET-(M2)2-CG*A*G*CAACCGGTCCGTCTCTACCCTAAACG-biotin (SEQ ID NO:70)
a156CF-eR20 6-FAM-(M2)2-CC*G*T*TCGCGTAGTGCCGAGGGCATCAATTA-biotin (SEQ ID NO:71)
a156CF-eR20 6-FAM-(M2)2-CC*G*T*TCGCGTAGTGCCGAGGGCATCAATTA-biotin (SEQ ID NO:71)
a125CT-eR36 TET-(M5)-CT*A*C*TTGCCTTCGCGTAGTGAGGAGAGTT-biotin (SEQ ID NO:72)
a125CF-eR34 6-FAM-(M5)-CT*C*G*GCACGGTTCTACGGAGTGCATAGCGA-biotin (SEQ ID NO:73)
a1CT-eR50 TET-CT*C*A*GGAAGGGCGAAGCGTTCCCTGCCAAT-biotin (SEQ ID NO:74)
a1CF-eR47 6-FAM-CT*A*C*GCACCTATGACGCGCCTAACCTTTGG-biotin (SEQ ID NO:75)